

TaqMan[®] Pathogen Detection Kit 簡易操作ガイド

Sep, 2006

アプライドバイオシステムズジャパン株式会社

本ガイドは TaqMan® Pathogen Detection Kitの操作を行う際に必要となる部分のみを記載している簡易操作ガイドです。

詳細は TaqMan® Pathogen Detection Kitおよび装置付属の英文ユーザーガイドをご確認下さい。また本 ガイドには知的財産に関するいかなる情報も含んでおりません。知的財産に関するする情報は英文ユー ザーガイドに記載されておりますのでご参照ください。

目次

• 実馬	検手順の概要 ・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・	3
• 製田	品概要	4
• 前均	音養後のDNAサンプルの調整 ・・・・・・・	6
• App	plied Biosystems 7300 · 7500 Real-Time PCR	
システム	ムユーザー ∶Rapid Finder™ソフトウェア	
_	ソフトウエアの起動 ・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・	7
_	サンプルシートの作成 ・・・・・・・・・・・・・・・・	8
_	試薬の調整、反応プレートの作成 ・・・・・・・・・	11
_	反応の開始・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・	16
_	解析結果の確認	18
• App	plied Biosystems 7900 HT FAST Real-Time PCR	
シフ	⋜テムユーザー、その他ユーザ	
_	PCR反応溶液の調整 ・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・	20
_	プレートドキュメントの作成 ・・・・・・・・・・・・・・・	22
_	サーマルサイクリング条件の指定とランの開始・・	23
_	データ解析	24
_	結果の表示・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・・	28

<u>実験手順の概要</u>

TaqMan® Pathogen Detection kit を用いた実験手順のフロー

サンプル

前培養 (必要な場合)各種目的の菌に標準的な培養条件で前培養を行います。

> DNAの調製 PrepMan® Ultra Sample Reagents (商品番号:4318930)

TaqMan® Pathogen Detection PCR反応溶液の調製

リアルタイムPCR

結果の判定

製品概要

TaqMan® Pathogen Detection kit は特定の病原菌検出の為の、シンプルで信頼性が高く迅速な手段を 提供します。このキットはPCR法を利用した方法で、目的の微生物特有のターゲット遺伝子配列を増幅し、 TaqMan® Probeにより特定の微生物の有無を蛍光検出します。

全てのターゲットが同一PCR反応条件で反応できるように設計されていますので、いくつかの菌を同時に 反応・判定する事が可能です。

検出感度

PCRにより検出感度は反応あたり、ターゲットDNA1~10コピーです。TaqMan® Pathogen Detection Kit は前培養したサンプルを用い、25gの食品あたり1CFUまでの感度で検出が可能です。

<u>検出特異性</u>

各キットは高精度のバイオインフォマティクステクノロジーにより近縁菌との交差な〈検出できるようにデザ インされています。各キットの検出特異性に付きましてはそれぞれのプロトコールをご参照下さい。

<u>キットの内容</u>

TaqMan® Pathogen Detection kitは100反応分の試薬を含みます。

名称	内容	容量	保存
10x Target Assay Mix	ターゲット遺伝子のプライマーとプローブ	300uL	-20
(1本)	IPCの鋳型とプライマーとプローブ		遮光
2x Environmental	DNAポリメラーゼ、PCRバッファー、リファレンスROX	750uL (2	2~8
Master Mix (2本)		本)	遮光
Negative Control (1本)	RNaseフリー水	1000uL	2~8

陽性コントロールはキットには含まれていません。陽性コントロールは必須ではありません。 陽性コントロールはクロスコンタミネーションを引き起こす可能性があるため扱いには十分に注意が必要で す。

<u>インターナルポジティブコントロール(IPC)</u>

アプライドバオシステムズではTaqMan® Pathogen Detection kit にIPCを含めています。IPCによりPCR の反応を阻害する物質の存在による偽陰性の判定を回避する事ができます。又、PCRに使用試した試薬 が滞りなく正しく働いて増幅が起こっているかどうかを確認することも出来ます。IPCを使用することにより、 ポジティブコントロールを使用する必要がなくなり、測定サンプルのクロスコンタミネーションによるリスクを 減らす事ができます。

<u>試薬の保管</u>

TaqMan® Pathogen Detection kit の保管は以下のガイドラインに従ってください:

•・ 製品が到着したら、10x Target Assay Mix は遮光して、-20 で保存してください。強い光線に当てると 蛍光色素に影響を与える可能性があります。

• Negative Controlと2x Environmental Master Mix は遮光して、2~8 で保存してください。

・ 凍結融解を繰り返すことはできるだけ避けてください。

商品名	サイズ	商品番号	
TaqMan® Campylobacter jejuni Detection Kit	100反応分	4368733	
TaqMan® <i>E. coli</i> O157:H7 Detection Kit	100反応分	4368735	
TaqMan® Listeria Monocytogenes Detection Kit	100反応分	4368734	
TaqMan® Salmonella enterica Detection Kit	100反応分	4368721	
TaqMan® Pseudomonas aeruginosa Detection Kit	100反応分	4370500	
TaqMan® Staphylococcus aureus Detection Kit	100反応分	4370568	
PrepMan® Ultra Sample Reagent	100検体分	4318930	
PrepMan® Ultra Protocol	1冊	4318925	
PrepMan® Quick Start Card	1枚	4318924	
PrepMan® Quick Starter Package	100検体分	4322547	
Rapid Finder™ Software v1.0 for 7300		4370199	
Rapid Finder [™] Software v1.0 for 7300 with RQS		4370200	
Rapid Finder [™] Software v1.0 for 7500		4370202	

前培養後のDNAサンプルの調製

PrepMan® Ultra Sample Preparation Reagentは広範囲のグラム陽性菌およびグラム陰性菌で有効です。前培養後の試料からのサンプル調整における検討を行う際の出発点としておすすめしてします。 液体培地や個体培地で培養したバクテリアからサンプルを調整する方法に関する詳細な情報は PrepMan® Ultra Sample Preparation Reagent Protocolをご覧下さい。

1. 1mlの前培養後のサンプルを滅菌した(リード付)スクリューキャップ式マイクロチューブに移し、 キャップを閉めます。

- 2. 遠心機を用いて、16,000gで3分間遠心し内容物を沈殿させます。
- 上清を捨て、ペレットを残します。上清はバイオハザード廃棄物の廃棄手順に従って処理します。
 注:上清を取り除く時にペレットを乱さないようにします。

4. ペレットを100 µ IのPrepMan® Ultra Sample Preparation Reagentに再懸濁し、内容物を混合す る為に軽〈ボルテックスにかけます。

- 5. 4を95-100 で10分間加熱した後、軽くボルテックスにかけます。
- 6. 遠心機を用いて、16,000gで3分間遠心し内容物を沈殿させます。

7. 上清50µlを新しいチューブに移しサンプルとします。サンプルは4 で約1ヶ月保存が可能です。 注:上清を取り除く時にペレットを乱さないようにします。

8. サンプルのうち10µlを新しいチューブに移し、RNase free水を90µl加えます。

9. 8を軽くボルテックスにかけて、これでPCRの為のサンプルDNAの準備は完了です。

Applied Biosystems 7300,7500 Real-Time PCR システムユーザー

RapidFinder[™] Software

•	Rap 使い	id Finder ソフトウェアは、病原菌検出の為のグラフィカルで やすいツールです
 	-	測定サンプル数やコントロールサンプル数、ターゲット遺伝子の種類 などの入力をガイドします
! !	_	反応に必要な各試薬の量を自動計算します
: 	_	サンプルやコントロールを分注する最適なウェルを決定します
	_	試薬の調製からプレートに分注するまでの各ステップを案内します
	_	標準的な反応温度条件を使用して反応を開始します
! !	_	反応後自動的にデータを解析します
 	—	結果(+,-,!)を表示します

<u> ソフトウエアの起動</u>

1. デスクトップにあるRapid Finderソフトウエアをダブルクリックして開きます。



2. メインページが表示されます。



<u>サンプルシートの作成</u>

メインページで[Create/Edit a Plate]を選択します。 1.

Workflow Tools
Create/Edit a Plate Leads you through the steps to name the plate or scan a barcode, and specify targets, samples, and controls.
Pipette a Plate Calculates the reagent volumes needed and determines the well location for sense and controls. Gives you the option to view on-screen pipetting steps, or to print the pipetting steps for both.
Run a Plate Runs the plate and generates results.
View Results Displays results in graphical or tabular data for individual wells and samples. Allows you to print reports or export results.

2. [Create New Plate]を選択し[Next]ボタンをクリックします。 Templateが有る場合は、Use Existing Plate Templateから開きます。 •

	Sele Sele	ect a Pi ect an o	late Creation Option ption, then click Next.
ſ	¢		Create New Plate Creates a new plate for a single run
	•	•	Open Plate In Progress: Plate_01272006_1
ſ	C	J	Use Existing Plate Template: Creates a new plate using information from a plate template

- 3.
- 必要に応じて、プレートの名前を[Plate Name]変更します。 オペレーターの名前[Setup Operator]やコメント[Comment]があれば入力します。
- [Next]ボタンをクリックします。 4.

	Enter Plat Use the au Next.	e Information to-generated plate name or type a new name	, type or scan the barcode (optional), type the Setup Operator name (optional),
Pla	ate Name:	Plate_02142006_1	
Ba	arcode:		To scan the barcode, click the Barcode field, then press the trigger on the scanner.
Se	tup Operator:		
Co	omments:		

- 5. 対象菌を選択しサンプル数、反応反復数、ネガティブコントロールの反応数を入力します。 • ネガティブコントロールは3反応以上行われることをお勧めいたします。
 - 陽性コントロールは特に推奨しません。
- 6. [Next]ボタンをクリックします。

-	Select T Select the required	a rget(s) e target pathoge for each target p	ns to test for, then er athogen. Click Next t	iter the number of s o continue.	amples, replicates,	and positive and ne	gative controls for each
Plate	Name: Pla	te_02142006_1					
	arget Information -			-			
	Target		# Samples	# Replicates	# Negative Control:	s # Positive Controls	
	1 🗌 C. jeju	ni		\frown	\frown		
	2 X E. coli	O157:H7	5	3	3	0	
	3 🗌 L. mon	0.					
	4 🗙 S. ente	rica	5	3	3	0	
			サンプル	数	ネガテ	ィブ反応数	
				反応反復	数		
				1	- This illus Wells L	stration shows the numbe Jsed: 36 / 96	r of wells containing samples
	トータ ル数	ッルの反 が緑でえ	応ウェ 示されま				
	す。						

- 7. サンプルの名前を入力します。
- 8. [Next]ボタンをクリックします。

rget/ To ac	/Sample Information dd additional targets or san	mples, click Back to retu	m to the previou	s page.			
	Target	Sample Name		Replicates	User Defined #1	User Defined #2	User Defin
2	E. coli 0157:H7	No.2					
3	E. coli 0157:H7	No.3					
4	E. coli 0157:H7	No.4					
5	E. coli 0157:H7	No.5		•			
6	S. enterica	No.1		•			
7	S. enterica	No.2		•			
8	S. enterica	No.3		•			
9	S. enterica	No.4		•			
10	S. enterica	No.5		•			
rget	Control Information	Control	Replicates		This illus Wells U	tration shows the number of wel	ls containing sam
1	E. coli 0157:H7	Negative	3				
2	S. enterica	Negative	3				

9. 反応に使用するチューブの形状と、分注方向を選びます。 [Next]ボタンをクリックします。 10.

Select a Pipetting Option Select the plate/tube/strip option	and pipetting orientation for your plate	, then click Next.	
s Name: Plate_02142306_1			
96-Well Plate		Single-tube	
Horizontal	C Vertical	C Horizontal	C Vertical
			Į
Strip			
C 12 Strip	C 8 Strip		
000000000000000	0000000		

- 11.
- 12.
- プレートマップが表示されます。 必要であればプレートマップをプリントアウトできます。 設定を確認して問題なければ[Next]ボタンをクリックします。このときサンプルセットアップ情報が 13. 保存されます。修正したい時にはBackボタンでページを戻って書き換えます。

Confirm Plate Configuration Review the plate configuration. If the plate is set up correctly, click Next. If the plate is not set up correctly, click Back, then change infor plate is not saved until you click Next on this page.													
Plate	Name: Plate	_02142006_1											
	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12	
A	U E. coli 0157:H7 No.1	U E. coli 0157:H7 No.1	U E. coli 0167:H7 No.1	U E. coli 0157:H7 No.2	U E. coli 0157:H7 No.2	U E. coli 0157:H7 No.2	U E. coli 0157:H7 No.3	U E. coli 0157:H7 No.3	U E. coli 0157:H7 No.3	U E. coli 0157:H7 No.4	U E. coli 0157:H7 No.4	U E. coli 0157:H7 No.4	
в	U E. coli 0157:H7 No.5	U E. coli 0157:H7 No.5	U E. coli 0157:H7 No.5	\bigcirc	\bigcirc	\bigcirc	0	\bigcirc	\bigcirc	(N) E. coli 0157:H7	E. coli 0157:H7	N E. coli 0157:H7	
С	0	\bigcirc	0										
D	U S. enterica No.1	U S. enterica No.1	U S. enterica No.1	U S. enterica No.2	U S. enterica No.2	U S. enterica No.2	U S. enterica No.3	U S. enterica No.3	U S. enterica No.3	U S. enterica No.4	U S. enterica No.4	U S. enterica No.4	
E	U S. enterica No.5	U S. enterica No.5	U S. enterica No.5	\bigcirc	\bigcirc	\bigcirc	0	\bigcirc	0	N S. enterica	S. enterica	N S. enterica	
F	0	0	0	0	0	0	0	0		ネガテ	ィブコ	ントロー	-ル
G	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	
н	\bigcirc												
										(13)	F	Print Plate Map.	
	()調整(円・]	৯ তে বিশ				4 2 2	• <u>. /</u> • <u>A</u> •					民る(型)	·汝へ

試薬の調製、反応プレートの作成

- 1. 引き続き分注を行う場合は、[Pipette Plate]を選択します。終了する場合は[Close]をクリックします。
- 2. [Next]ボタンをクリックします。

	Select the Select your	Next Step next step, then click Next.
 -	1	Pipette Plate Select to continue and pipette the plate
C		Set up another plate Select to set up another plate

- 3. Plate Nameよりプレートを選択します。
- 4. 分注担当者の名前などを入力します。
- 5. [Next]ボタンをクリックします。

Select a Plate to Pipette Select a plate, review the plate details, add i -Select a Plate Date Range: All Dates (mm/dd/yyyy) From: 01/01/1980 0 To: 02/14/2006 0	nformation as needed, then click Next. - Plate Details Enter Pipette Operator name (optional) and Comment (optional).
Plate Name /¥ Create Date Plate 01272006 1 01/27/2006 Plate 01212006 1 01/81/2006 Plate 01212006 1 01/81/2006 Plate 01212006 2 02/10/2006 Plate 02102006 2 02/10/2006 Plate 02102006 2 02/10/2006 Plate 02102006 3 02/10/2006 Plate 02102006 3 02/10/2006	Plate Name: Plate_02142006_1 Barcode: Setup Operator: Pipette Operator: Instrument Type: Instrument Type: 7500 System Software Version: 1.0 Targets on Plate: E. coli 0157:H7; S. enterica
	Comments:

プリントアウトするか、コンピュータを動かしながらウィザードに沿って分注を行うかを選択します。
 [Next]ボタンをクリックします。

	Select a F Select a m MPORTAN	ipetting Procedure ethod to review procedures for setting up the p IT! Use proper technique when handling PCR	physical plate, then click Next. samples and reagents. For de	tails, refer to the kit protocol.	
Plate Infor Plate	mation Name: Plate	_02142006_1	Barcode:		
Pipetting F	rocedures O	ptions			
C		Print pipetting procedures Select this option to print the pipetting procedure.	プリント	アウト	
¢		Use online step-by-step pipetting procedures Select this option to display the online pipetting proce	dure. オンライ	ンステップバイスき	テップ
C		Print pipetting procedures and continue to use online s Select this option to print the pipetting procedure and	tep-by-step procedures display the online pipetting procedure	プリントアウト&	オンライン

ステップバイステップ

8. 分注でロスする分の試薬の余裕を何%に設定するかを選択します。

9.

各試薬及びサンプルの必要量が示されますので、準備します。 確認したら左下のチェックボックスにチェックを入れ[Next]ボタンをクリックします。 10.

te In Pla	iformation ate Name: Plate_02142006_1		Barcoo	e:				Created: 2006/02/
agen	ts					Sam	oles	
			Pipette Overage:	5 %	•		Name	Volume
	Name	Kit Part Number	Volume	3%	^	1	No.1	72 uL
	E. coli ()157:H7	4366100		- <mark>5 %</mark>		2	No.2	72 uL
,	EMM	kit component	283.50 ul	7%	Ξ	3	No.3	72 uL
}	Там	kit component	56 70 ul	8 % 9 %		4	No.4	72 uL
1	Negative Control	kit component	26.00 ul	10 %	*	5	No.5	72 uL
, ;		4266104	30.00 UL	-				
5	EMM	kit component	283.50 ul	-				
	ТАМ	kit component	56 70 ul	-				
	Negative Control	kit component	26.00 ul	-				

- 常温に戻した試薬をそれぞれ指示された量ミックスします。 11.
- 十分に攪拌した後、スピンダウンします。 12.

10

左下のチェックボックスにチェックを入れ[Next]ボタンをクリックします。 13.

Prepare Premix Solutions Follow the directions below to prepare the needed premix solutions, check	k the box at the bottom:	n of the page, then cl	lick Next.		
Plate Information					
Plate Name: Plate_02142006_1 Barcode:			Created: 2006/0	02/14 15:58:11	
Premix Directions					1
1. Thew all reagents completely, mix (by gently aspirating/dispensing a few times or by vortexing	briefly), then	Target Name	2×EMM Vol	1 0x TAM Vol	-
2. Label a tube with target name.	1	E. coli O157:H7	283.50 uL	56.70 uL	
3. Combine the volumes listed of 2x Environmental Master Mix (EMM) and 10x Target Assay Mix ((TAM). Use a 🗧 2	S. enterica	283.50 uL	56.70 uL	
new tip when pipetting EMM and TAM. 4 Mix represente (by precisiting (discovering a few times or by yesterving briefly)					••
5. Close the tube.					
 When all premix solutions are prepared, check the box at the bottom of the page, then click Nex When all premix solutions are prepared, check the box at the bottom of the page, then click Nex 	t 1.全 ンしま 2.タ・ 3.10 EMM 4.37 5.ス 6.タ・	ての試薬を ーゲットごと xTAMと2xi とTAMを分 を十分に攪 ピンダウンレ ーゲットごと	解凍し ⁻ にチュ- EMMを 注 主 ま る に す る に す る に す る に す こ ・ 二 ・ こ ・ 二 ・ ・ ・ ・ こ ・ ・ ・ ・ ・ ・ ・ ・	+分に招 - ブを準 表に示す ない - 。 5を繰り	『詳し、軽くスピンダウ 「備し、名前を書きます。 された量をとります。 いいチップを使用します ひ返します。
Select to confirm that this step has been completed					
			/ 82/01	1 Jac / 18 1	

- 14. 各ウェルに反応プレミックスを18µ!ずつ分注します。
- 15. 分注できたら対応するターゲットのチェックボックスにチェックします。
- 16. 分注が終了したら左下のチェックボックスにチェックを入れ[Next]ボタンをクリックします。



- 対応するチェックボックスにチェックを入れながら各ウェルにサンプルDNAを12 µ」ずつ分注します。このとき1ウェルごとにチップを交換します。
- 18. 分注が終了したら左下のチェックボックスにチェックを入れ[Next]ボタンをクリックします。
- 19. 上記の要領でターゲットごとにウィザードの指示に従って分注していきます。

Ĺ	Pi Fo	llow the	Jnknov e directi	vn San ions be	iples low to p	oipette	unkno	wn sam	iples, c	heck th	ne box :	at the I	oottor	n of the pa	ge, then c	lick Next.		
Plate	Informa Plate Na	tion me: Plat	e_021420	06_1					l	Barcode:							Created:	
Pipet Tan The 1. C 2. N tt 3. 6 4. C 5. V	te Unkn eunknow Dick a W Mix by ge Mix by ge he tube : optional Shange ti Men all	2): n sample ell Numb ently aspi to minimi Check th ne pipette unknown	E. coli O wells re ver in the irating ar ze aeros he Pipett e tip, the samples	157:H7 served f table at d disper ol forma ted box. n repeat for the 4	or the ta right, th ising a fe tion and i steps 1 target an 5	røet abo en pipett switimes cross-co through through 6	ve are h e the ini . IMPOR ntamina 4 for the d, check 7	ighlighted dicated v TANT! M tion. next unl the box	d below. rolume of lix very (known. at the b	f an unkr sently wi ottom of 10	nown into th the pi the page	othe inc ipette tij e, then i 12	licated at the slick Ne	well. • bottom of ext.	Pipetted	Well Number A1 A2 A3 A4 A5 A6 A7 A8 A9	Sample Na No.1 No.1 No.2 No.2 No.2 No.3 No.3 No.3	
A B C D E F G H	Select tr	Confirm	that this	o o o o o o o o o o o o o o o o o o o	es been c	ompleter								1のさ2:床34.5スに 34.5スに	長がたペポネシーをチンクの見ていた。 「たべれた」です。 からしてのする。 のの見ていた。 でのの見ていた。 でのの見ていた。 でのの見ていた。 でのの見ていた。 でのの見ていた。 でのの見ていた。 でのの見ていた。 でのの見ていた。 でのの見ていた。 でのの見ていた。 でのの見ていた。 でのの見ていた。 でのの見ていた。 でのの見ていた。 でのの見ていた。 でのの見ていた。 でのの見ていた。 でのの見ていた。 でのの見ていた。 でのの見ていた。 でのの見ていた。 でのの見ていた。 でのの見ていた。 でのの見ていた。 でのの見ていた。 でののの見ていた。 でのののでののでのでのでのでのでのでのでのでのでのでのでのでのでのでのでので	ウェレマンク ウーレマンク ウーレマンク ウート ウート マート マート マート マート マート マート マート マート マート マ	ナナ。ルに フレンバを レンバを レンバを レンバを した アンバを した アンバを レンバを レンバを した アンバト アンバト アンバト アンバト アンバト アンバト アンバト アンバト	バーをクリックするとウェル イライトされたウェルに指示 分注します。 ってゆっくりと攪拌します。 飛 こいように十分注意します。 ックスにチェックを入ます。 ~ 3を繰り返します。 だら、左下のチェックボック Nextをクリックし次のページ

- ポジティブコントロールを設定した時は、ポジティブサンプルを分注する前に既にサンプルを分注 20. したウェルにフタをして、コンタミネーション汚染から守ります。(ポジティブコントロールを設定していな い場合はステップ24.へ)
 - オプティカルフィルムを使用している場合は、アルミホイルなどを使ってカバーし、コンタミ ネーション汚染染から守ります。



- 対応するチェックボックスにチェックを入れながら各ウェルにポジティブサンプルを12µ」ずつ分注 21. します。1ウェルごとにチップを交換します。
- 分注が終了したら左下のチェックボックスにチェックを入れ[Next]ボタンをクリックします。 22.
- 上記の要領でターゲットごとにウィザードの指示に従って分注します。 23.

Pipette Positive Controls Follow the directions below to pipette positive cont	trois, check the box at the bottom of the page, then click Next.
- Plate Information Plate Name: Plate_07052006_1	Barcode:
 Pipette Positive Controls IMPORTANT! When pipetting positive control, be extremely careful. Co will affect results. 1. Click a Well Number in the table at the right, then pipette the indicated well. 2. Mix by gently aspirating and dispensing a few times. IMPORTANT! the tube to minimize aerosol formation and cross-contamination. 3. (optional) Check the Pipetted box. 4. Change the pipette tip, then repeat steps 1 through 3 for the next p 5. When all positive controls are pipetted, check the check box at the 	ontamination of unknown wells with positive control ated volume of the positive control for the target into Mix very gently with the pipette tip at the bottom of E11 Dissifive control well. bottom of the page, then click Next.
 1.表中のウェルナンバーをクリックするとウェルの色が反転します。ハイライトされたウェルに指示された量のサンプルを分注します。 2.ピペッティングによってゆっくりと攪拌します。 7.ポネが飛んでコンタミしないように十分注意します。 3.分注したチェックボックスにチェックを入ます。 4.チップを変えて、1~3を繰り返します。 5.全ての分注が済んだら、左下のチェックボック 	
スにチェックをした後、Nextをクリックし次のペー ジに進みます。	

- 24. 全てのウェルにフタをします。又はオプティカルシールを貼ります。
- 25. ウェルのそこの泡が無いか確認します。必要に応じて、遠心によりスピンダウンします。(<1500 g)
- 26. 左下のチェックボックスにチェックを入れ[Next]ボタンをクリックします。



- 27. プレートマップが表示されます。
- 28. [Next]ボタンをクリックします。



<u>反応の開始</u>

続けて反応を行う場合は、[Run plate]に進みます。 1.

×.		Select the Select your	Next Step next step.	
Plate	Info Plate	rmation • Name: Plate_	02142006_1	Barcode:
Next	Step	Options		
	(Run plate Select this option to run a plate.	
	C		Print pipetting procedures Select this option to print the pipetting procedure yo	u just performed.
	C		Pipette another plate Select this option to pipette another plate.	

- 反応を行うプレートを選択し担当者の名前を入力します。 [Next]ボタンをクリックします。 2.
- 3.

Select a Plate to Run Select a plate, review the plate details, and ar Load the plate in the instrument (click Help fo	dd information as needed. r information), then click Next.
Select a Plate Date Range: All Dates (mm/dd/yyyy) (mm/dd/yyyy) From: 11/01/190 Plate Name /* Last Modified Plate 01222006_1 01/31/2006 Plate_01212006_1 01/31/2006 Plate_01212006_1 01/31/2006 Plate_01212006_1 02/10/2006 Plate_01212006_2 02/10/2006 Plate_02102006_1 02/10/2006 Plate_02120206_1 02/10/2006 Plate_02120206_1 02/10/2006 Plate_02142006_1 02/10/2006	Plate Details Enter Run Operator name (optional) and Comment (optional). Plate Name: Plate_02142006_1 Barcode: Setup Operator: Plate Setup: 2006/02/14 1558:11 Pipette Operator: Run Operator: Instrument Tune:200 Sustem
	Software Version: 1.0 Tareets on Plate: E. coli 0157:H7; S. enterica Comments:

- リアルタイムPCRシステムに反応チューブをセットします。 4.
- 5.
- サイクル数を40,45,50の中から選択します。 [start]をクリックして反応を開始します。終了までの時間が表示されます。(増幅曲線のリアルタイ 6. ム画像は表示されません)

Change the Number of PCR	Cycles as needed, then click Start.
- Plate Information	
Plate Name: Plate_02142006_1	Barcode:
Run Options	
Number of PCR cycles: 45	
Run Plate	
Estimated Time Remaining: 00:00:00	(hh:mm:ss)
	start 🕞

7. ランが終了したらCloseします。

解析結果の確認

- 各ステップはメイン画面からも進む事ができます。 1.
- 2. ランが終了した解析データを見るには[View Results]を選択します。

	Workflow Tools
[Create/Edit a Plate Leads you through the steps to name the plate or scan a barcode, and specify targets, samples, and controls.
	Pipette a Plate Calculates the reagent volumes needed and determines the well location for samples and controls. Gives you the option to view on-screen pipetting steps, or to print the pipetting steps (or both).
	Run a Plate Runs the plate and generates results.
[View Results Displays results in graphical or tabular data for individual wells and samples. Allows you to print reports or export results.

- Plate Nameをクリックすると結果が表示されます。[Results by Well]タブ内で、結果はウェルごと 3. に[+]、[-]、[!]で示されます。[!]は、反応に問題があります。再反応を行ってください。(詳細は 各キットプロトコールのAppendixをご参照下さい。)
- 増幅曲線を見るには[View in SDS]をクリックします。(注!!:編集を加えると結果レポートを得る 4. 事が出来なくなります。)

a Plate	ns	Resu	ults By We	II lesults C ate Vi	By Sampl	e Plate L Table View	nformation v	Report						
Range: All Dates	•		1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	1
(mm/dd/yyyy) 01/01/1980	(mm/dd/yyyy) To: 02/14/2006	A	E. coli 0167	7 E. coli 0157	E. coli 0157	E. coli 015	7 E. coli 0157	E. coli 0157	E. coli 0157	E. coli 0157	E. coli 015	7 E. coli 0157	E. coli 0157	E. col
Name /¥ Ort L	Date Run Date	в	E. coli 0167	7 E. coli 0157	E. coli 0157	E. coli 015	7 E. coli 0157 623	E. coli 0157 624	E. coli 0167 625	E. coli 0167 791	E. coli 015 799	7 E. coli 0157 812	E. coli 0157 813	E. col 819
3 pie_cc0_sai 02/1 <u>02142006_1 02/1</u> 01/2	4/2002/14/2006 7/2007/29/2005	D	E. coli 0157 883	7 E. coli 0157 884	E. coli 0157 TE	E. coli 015 TE2	7 E. coli 0157 TE3	E. coli 0157 D				E. coli 0157	7 E. coli 0157	E. col
	_	E	S. enterica	S. enterica	S. enterica	S. enterica	S. enterica	S. enterica	S. enterica	S. enterica	S. enterica	S. enterica	S. enterica	S. ent
		F	S. enterica s12	S. enterica \$13	S. enterica	S. enterica s15	S. enterica	S. enterica s17	S. enterica s18	S. enterica s19	S. enterica s20	S. enterica	S. enterica s22	S. ent s23
		G	S. enterica s24	S. enterica s25	S. enterica s26	S. enterica s27	S. enterica s28	S. enterica s29				S. enterica	S. enterica	S. ent
		H K K K K K K K K K K K K K K K K K K K	ey Positive R Negative Result Wi	lesult Result arning	Positiv Negat A Contro	ve Control ive Control ol Warning								

5. [Report]タブからデータをエクセルシートフォーマットでエクスポートする事ができます。

	A	В	C	D	E	F
8	Serial Number	173000007				
9	Pipette Operator					
10	Software Version	1				
11	Run Operator					
12	Run Start Date	2006/2/1411:15				
13	Barcode					
14	Comments	SAKSTSUME Sample	TEST			
15	20060214					
16						
17	Run Conditions					
18	PCR Volume	30.0 ml				
19	Data Collection					
20	Stage	3				
21	Step	2				
22						
23	Thermal Cycler Protocol					
24	Stage	Step	Temp(~C)	Time(mm:ss)	Repeat	Ramp Raf
25	1	1	50	02:00.0	1	Auto
26	2	1	95	1 0:00.0	1	Auto
27	3	1	95	00:15.0	45	Auto
28		2	60	01:00.0		Auto
29						
30	Kit Names and Part Numbers					
31	Kit Name	Part Number				
32	E. coli 0157:H7	4366100				
33	EMM	kit component				
34	TAM	kit component		1		
35	Nesstive Control	kit component		-		
36	S. enterica	4366104				
37	EMM	kit component				
38	TAM	kit component				
39	Nesstive Control	kit component				
40		·				
41	By Sample Results					
42	Sample Name	Target Name	Replicates	Result	Assmt	ABJ
43	2	E. coli 0157:H7	1	Positive		
44	4	E. coli 0157:H7	1	Positive		
45	5	E. coli 0157:H7	1	Positive		
40	7	E. coli 0157:H7	1	Positive		
40						

PCR反応溶液の調製

- 1. 全ての試薬を冷蔵、冷凍庫から出して完全に溶解します。
- 2. ターゲット毎に以下の表に従い、プレミックス溶液を作成します。(ア)~(ウ)の総和にピペティング でロスする分を考慮して作成します。
 - a. サンプルの本数 X 反復反応数
 - b. ネガティブコントロールウェル数(必須)
 - c. ポジティブコントロールウェル数(推奨しません)

[注記:アプライドバイオシステムズでは1サンプルあたり、3反復で実験を行うことを推奨しています。 又、各ターゲットに対し少なくとも1つのネガティブコントロールが必要となります。]

コンポーネント	1反応(30uL)に 必要な容量(uL)	4反応に必要な容量(*) (uL)	
2x Environmental Master Mix (EMM)	15.0	66.0	
10x Target Assay Mix (TAM)	3.0	13.2	
総容量	18.0	79.2	

(*) ピペティングエラーを考慮して10%増やして(x4.4で)計算しています。

- 3. 十分に混和します。
- 4. 使用する反応ウェルの底に18uLづつ静かにプレミックス溶液を分注します。クロスコンタミネーション防止の為に以下の点等に注意してください。
 - a. ウェルに余裕のある場合はターゲット毎に列を分けます。
 - b. 同一ターゲットに対して、同じサンプルの反復は隣同士に配置します。
 - c. 可能であれば、コントロールと未知サンプルの間は1ウェル以上空けます。
 - d. 可能であれば、ネガティブコントロールとポジティブコントロールの間は1ウェル空けます。
 - e. ポジティブコントロールは1番外側に配置します。

[サンプル配置の例]

	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12
A		UNKN1		UNKN2			NEG CTRL	NEG CTRL			POS CTRL	
В												
С		UNKN1			UNKN2			NEG CTRL	NEG CTRL			POS CTRL
D												
E		UNKN1		UNKN2				NEG CTRL	NEG CTRL			POS CTRL
F												
G		UNKN1			UNKN2			NEG CTRL	NEG CTRL			POS CTRL
н												

- 5. 12uLの未知サンプルを分注します。ピペティングにより静かに混和します。1ウェルごとにチップを 交換します。
- 6. 12uLのネガティブコントロールを分注します。ピペティングにより静かに混和します。1ウェルごとに チップを交換します。
- 7. 全ての未知サンプルとネガティブコントロールにフタをしてから、12uLのポジティブコントロールを 分注します。ピペティングにより静かに混和します。1ウェルごとにチップを交換します。
- 8. キャップ又はオプティカルシールを貼ります。
 - Optical adhesive cover を貼る場合は、アプリケーターの平らなエッジでプレート表面を 縦横方向にこすります。96ウェルの円周に十分にシールがついていることを確認します。



キャップの場合、toolなどを用いて十分な圧力をかけてください。



Cap installing tool (P/N:4330015)

.



Rolling capping tool≁

9. ウェルの底に気泡が入っていないか確認します。必要に応じてスピンダウンします。

<u>Applied Biosystems 7900 HT FAST Real-Time PCR Systemを用いた場合</u> * PRISM7000をご使用の場合もこちらに準じて行ってください。

コンピューターを起動します。

1.

> 7900HTシステム本体の電源を入れます。

<u>新規プレートドキュメントの作成:</u>

- デスクトップ上の[SDS Software]を、起動します。
- 2. File メニューより、Newを選択します。[New Document]が表示されます。

New Docu	ument	X
Assay:	Standard Curve (AQ)	-
0		
Container:	So wells Clear Plate	Ť
Template:	Blank Template	Ŧ
	Browse	
Barcode:		_
?	Save Settings As My Default OK Cance	.I

- **3.** Assay: のドロップダウンリストよりStandard Curve(AQ)を、Container:より正しいブロックを選択しOKをクリックします。
- 4. Add DetectorをクリックしDetector Managerを表示させます。
- 5. 使用したいDetectorを選択し、Copy to Plate Documentをクリックします。
 - a. 使用したいDetectorが無い場合は、左下[New...]より 新しいDetectorを作成します。
 - b. Detector nameに検出する菌(又はIPC)の名前を入力し、各ターゲットは[Reporter:FAM, Quencher:none]、IPCは[Reporter:VIC, Quencher:none]に設定します。

A	42	42	~	AE	48	47	40	00	0.40	0.4.4	A42		VVell(s):						
	742	7.5	,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,	AS	A0	A	76	A3	AIO	AIT	AIZ		Sample	Name:					
В1	B2	вз	B4	85	86	87	BS	89	B10	B11	B12		Use	Detector	Reporte	r	Ta	sk	Quar
С	Detec	tor Ma	nager																
61					- 1		-				1								
D D1	Find:				⊥.		Filter	FI	ter Setti	ngs									
E	G	roup		Na	ame		Rep	orter	Que	encher	Color	AIF	Assay ID	Modi	ification Date	Ov	vner	Cri	eation Date
E1	kinki		actin				FAM		Non F	luores				Mon Nov 28 1	7:54:55 JST 2005			Mon Nov 28 1	7:54:55 JS
F	Default		GAP				VIC		TAMR	A				Wed May 18	12:44:05 JST 2005			Wed May 18	12:44:05 JS
F1	Default		GAPI	DH			VIC		Non F	luores				Mon May 23 1	15:10:28 JST 2005			Mon May 23 1	5:10:28 JS
	Default		IL4				FAM		Non F	luores				Thu Jun 30 16	6:01:45 JST 2005			Thu Jun 30 16	6:01:45 JS1
Ŭ G1	Default		IL8				FAM		Non F	luores				Mon May 23 1	15:11:25 JST 2005			Mon May 23 1	5:11:25 JS
	Default		IPC				Mic		Non E	luores				Thu Jul 13 11	18:55 JST 2006			Thu Jul 13.11	18:55 JST
	Default		Lister	ria			FAM		Non F	luores				Thu Jul 13 11	:20:24 JST 2006			Thu Jul 13 11	20:24 JST
	CMO		Mees	-			FAM		TAME	<u>, </u>				Cat May 28 4	4:42:47 JCT 2005			Cet May 28.4	14247.00
Toble	GMO		NK6C	03			FAM		TAMR	A				Sat May 28 1	4:13:04 JST 2005			Sat May 28 1	4:13:04 JS
i abie .	Default		NOS				SYBR		Non F	luores				Tue Dec 201	3:17:12 JST 2005			Tue Dec 20 1	3:16:52 JS
Positie	Default		Salm	onella			FAM		Non F	luores				Thu Jul 13 11	:20:03 JST 2006			Thu Jul 13 11	20:03 JST
0.4	GMO		SSIIb				FAM		TAMR	A				Sat May 28 1	4:12:30 JST 2005			Sat May 28 1	4:12:30 JS1
AI	IGMO		T25b				FAM		TAMR	A				Sat May 28 1	4:13:58 JST 2005			Sat May 28 1	4:13:58 JS1
AZ	0		TC15	507			FAM		TAMR	A,				Sat May 28 1	4:13:33 JST 2005			Sat May 28 1-	4:13:33 JS1
	איי ר		тия				FAM		Non F	luores				Wed May 18	12:43:32 JST 2005			Wed May 18	12:43:32 JS
A	A New		0	1	Delet	- I	Teele	- 1								_			
AD	New	·	Open		Delei		TOOIS	· _											
0.7																[5			_
A7 A8	2															J	Co	py To Plate Do	cument
A9		A9										1 7							
A10		A10									╈	+/							
A11		A11											Add	Detector	Clear Conv	to Manag	ier		
A12		A12																	
B1		B1				-					-		Dessive	Roforonco: R	x 👻				
B2.		B2										-							
4												Þ	Omit	vvell(s)					

- 6. 各ウェルに**Detector**と**Task**を指定しサンプル名を入力します。
 - a. 使用するウェルを選択します。(例:リステリア反応のウェルを選択)
 - **b. Detector**名の**Use**にチェックを入れます。 ウェルには各ターゲットとIPCの2つの Detectorが含まれます。(例:リステリアとIPCのUseにチェックを入れる)
 - c. 各DetectorのTaskがUnknownになっているか確認します。
 - d. サンプルごとにSample Name欄に名前を入力します。入力しない場合ウェルの番号がそのままサンプル名となります。

Ł	Ĵ 7	900 pa	thogen	picture	.sds = A	Absolute	e Quanti	fication	1								_	. 🗆 🤇
		1	2	3	4	5	6	7	8	9	10		Setup	Instrument	:			
													Well(:	s): A1-A12, E	31-B12			?
ć	1	U IPC U Liste	🖥 d		Samp	le Name: 🔺 M	fixed *											
												1	Use	Detector	Reporter	Tas	tity	Color
	3	U IPC	U IPC		U IPC	U IPC	U IPC					2		IPC	VIC	Unkno	0	
Ŀ		LISIE	Liste	Liste	C LISIE	Liste	Liste	Liste	Liste	C LISTE		e		Listeria	FAM	Unkno	0	
	c	U IPC U Salm	U IPC U Salm	U IPC U Salm	U IPC U Salm	U IPC	U IPC U Salm	U IPC U Salm	U IPC U Salm	U IPC U Salm	b			Salmonella	FAM		U	
	>	U IPC U Salm	U i U ș															

サーマルサイクリング条件の指定とランの開始:

1. [Instrument]タブをクリックします。



- 2. 標準的なPCR 条件がデフォルトで表示されています。
- 3. Mode: はStandardを選択します。
- 4. [Sample Volume]を30に変更します。
- 5. サイクル数を40から45に変更します。
- 6. [File]メニューより[Save As]を選び、AQプレートドキュメントの名前をタイプ入力してから、 [Save]をクリックし保存します。
- 7. Open/Closeボタンを押してトレイを出し、プレートを装置にセットします。
- 8. [Start]をクリックします。
- ♦ ランの終了後、プレートドキュメントの設定を変更して解析することもできます。

<u>データ解析:</u>

FAM [™] 色素のシグナル	VIC®色素のシグ ナル	判定
+	+,-	陽性
-	+	陰性
-	-	キットプロトコールのAppendixのトラ ブルシューティングの項をご覧下さい

- ◆ 解析の詳細に関してはご利用機器の取扱説明書をご参照下さい。
- 1. **▶**:又はAnalyzeボタンをクリックします。
- Well gridのAと1の間のコーナーをクリックして全てのウェルを選択し増幅曲線を表示します。(選択しないと、プロットは空白のままになります。)



> IPC増幅の確認

- 3. [Detector]ドロップダウンリストでDetectorにIPC選びます。
- 指数関数的増幅領域(直線的に増えている部分)にThreshold Lineが設定されていることを確認し ます。Analysis SettingsでManual Ctにチックをすると、直接Threshold Lineを動かす事ができます。

- 5. 全てのウェルからIPCが検出されていることを確認します。
 - a. 画面左下のResult tableを確認します。
 - b. Taskが[IPC]のカラムのCtを確認します。Undet.と表示されている場合は検出されていません。
- 重要!:IPCの増幅が認められない場合や、他のウェルと比較して著しく検出サイクルが遅れる場合は、 PCR反応が正常に行われなかった事が疑われます。そのサンプルについては、反応を始めから やりなおします。

Table Sett	tings: No					
Position	Flag	Sample	Detector	Task	Ct	Ct Median
A1	1	v10	IPC	Unknown	29.463003	
	1		Listeria	Unknown	Undetermined	
A2	1	v10	IPC	Unknown	29.806858	
	1		Listeria	Unknown	Undetermined	
A3	1	v10	IPC	Unknown	29.591623	
	<u> </u>		Listeria	Unknown	Undetermined	
A4	1	v9f1	IPC	Unknown	29.870174	
	<u> </u>		Listeria	Unknown	Undetermined	
A5	<u> </u>	v9f1	IPC	Unknown	29.947983	
	1		Listeria	Unknown	Undetermined	
A6	<u> </u>	v9f1	IPC	Unknown	29.713703	
	1		Listeria	Unknown	Undetermined	
A7	1	v8f2	IPC	Unknown	29.965462	
	1		Listeria	Unknown	39.508835	
A8	1	v8f2	IPC	Unknown	29.636406	
	1		Listeria	Unknown	37.977654	
100	<u> </u>		inc.	Line and the second	00 700000	

NTCの増幅確認

- **1.** [**Detector**]ドロップダウンリストからターゲットのDetectorを1つ選びます。Well gridのAと1の間のコーナーをクリックして全ての増幅曲線を表示します。
 - a. PCR増幅している陽性検体の指数関数的増幅領域(直線的に増えている部分)に Threshold Lineが設定されていることを確認します。
 - b. IPC確認の要領で今度は、NTCからのPCR増幅が認められないことを確認します。 Undet.と表示されていること。
 - c. Taskが[NTC]のカラムのCtを確認します。数値が表示されている場合は増幅が認められます。
- 重要!:NTCから増幅が認められる場合は、汚染の可能性があるため反応を始めからやり直します。
- 2. NTCからの増幅が起こっていないことを確認できたら、次ページ「ターゲットの増幅確認」に進みます。

> ターゲットの増幅確認

!!前ページのNTCからの増幅が無い事が確認された場合にのみ対応します。!!

PCR増幅している陽性検体の指数関数的増幅領域(直線的に増えている部分)にThreshold Lineが設定するか又は、以下の方法でThreshold Lineの設定を行います。

- マウスを右クリックしDisplay Settingsを表示します。ScaleのY-AxisでLinearにチェックを入れ、 [OK]をクリックします。
- グラフが表示されます。画面に十分に増幅曲線が見えるようにDisplay Settings からY-Axisのス ケールを変更します。minは-0.5とします。



- 3. Threshold Lineがネガティブのバックグラウンドより上に来るように設定します。Analysis Settings内でManual Ctにチェックをすると、Threshold Lineを直接移動させる事ができます。
- 4. [Analyze]をクリックします。
- 5. ターゲット毎に「NTCの確認」と「ターゲットの増幅確認」を繰り返します。

<u>結果の表示:</u>

Report (レポート): 選択されたウェルのデータが表形式で表示されます。 検出されたウェルにはCtの欄に数値(Ct値)が表示されています。未検出のウェルにはUndet.Resultを表示されます。

Table Set	tings: Untitled1	1	- 📣				
Position	Sample	Detector	Task	Ct	Quantity	Qty mean	?
A1	v10	IPC	Unknown	29.463003	78.44		-
		Listeria	Unknown	35.013767	人防性		
A2	v10	IPC	Unknown	29.806858			
		Listeria	Unknown	35.92602			
A3	v10	IPC	Unknown	29.591623	DQ 14		
		Listeria	Unknown	Undetermined	비 등 (1		
A4	v9f1	IPC	Unknown	29.870174			
		Listeria	Unknown	32.275635			
A5	v9f1	IPC	Unknown	29.947983			
		Listeria	Unknown	33.06794			
A6	v9f1	IPC	Unknown	29.713703			
		Listeria	Unknown	33.159763			
A7	v8f2	IPC	Unknown	29.965462			
		Listeria	Unknown	32.226265			
D13	D13	IPC	Unknown	Undetermined	「五四会」	H	-
		Salmonella	Unknown	Undetermined		±	Þ
D14	D14	IPC	Unknown	Undetermined			
		Salmonella	Unknown	Undetermined			
D15	D15	IPC	Unknown	Undetermined			

解析結果データのエクスポート:

データはテキストファイルにエクスポートしてから、Microsoft Excelなどの表計アプリケーションにインポートできます。

- 1. [File]メニューから[Export]を選んでから、[ResultsTable]を選びます。
- 2. エクスポートファイルのファイル名を入力します。
- **3.** [Save]をクリックします。

アプライドバイオシステムズジャパン株式会社 29

研究用にのみ使用できます。診断目的およびその手続き上での使用は出来ません。

The PCR process and 5' nuclease process are covered by patents owned by Roche Molecular Systems, Inc. and F. Hoffmann-La Roche Ltd.

Applied Biosystems, PrepMan and VIC are registered trademarks and AB (Design), Applera, FAM and are trademarks of Applera Corporation or its subsidiaries in the US and/or certain other countries.

Rapid Finder is a trademark of Applied Biosystems/MDS SCIEX, which is a joint venture between Applera Corporation and MDS Inc.

TaqMan is a registered trademark of Roche Molecular Systems, Inc.

記載の社名および製品名は、弊社または各社の商標または登録商標です。

© 2006 Applied Biosystems Japan Ltd. All rights reserved.

当社ホームページ: www.appliedbiosystems.co.jp アプリケーションサポートへのお問い合わせ フリーダイアル TEL: 0120-477-392 FAX: 0120-477-120 電子メール : jptechsupport@appliedbiosystems.com